

	10	20	30	40	50		
GFP	MSKGEELFTGVVPILVELGDDVNNGHKFSVSGEGEGDATYGKLTLKFICTTGKLPVP..WPT					SEQ ID NO:29	
DsRed	MRSSKNVIKEFMRFKVRMEGTVNHGHEFEIEGEGEGRPYEGHNTVKLKVTKGQ..PLPFAWDI					SEQ ID NO:30	
ppluGFP1	MPAMKIECRISGTLNGVVFELVGGEGIPEQGRMTNKMSTKGA..LTFSPYL					SEQ ID NO:02	
ppluGFP2	-----T-----E-----T-----					SEQ ID NO:04	
laesGFP	-----M---EE----A-D-NTDE-----					SEQ ID NO:06	
pmeaGFP1	-----D---L---H---M---EE----I-A-D-NTDE-----					SEQ ID NO:08	
pmeaGFP2	-----D---L---H---M---EE----I-S-D-NTD-----N---I---P-S-----					SEQ ID NO:10	
pmedGFP1	-----N---L---M---EE----A---NTDE-----					SEQ ID NO:12	
pmedGFP2	-----H---L-----M---EE----A-D-NTDE-----Q-----P-S-----					SEQ ID NO:14	
pdaelGFP	-----A-----T---M---E-----NTD-----P-S-----					SEQ ID NO:16	
	60	70	80	90	100	110	
GFP	LVTTFSYGVQCFSRYPDHMKQHDFFKSAMPEGYVQERTIFFKDDGNYKTRAEVKFEGDT					SEQ ID NO:29	
DsRed	LSPQFOQGSKVYVKHADIP..DYKKLSFPEGFKWERVMNFEDGGVVTVTDSSLQDGC					SEQ ID NO:30	
ppluGFP1	LSHVMGYGFYHFGTYPGSEN..PFLHAANNGGYTNTRIEKYEDGGVLHVSFSYRYEAGR					SEQ ID NO:02	
ppluGFP2	-----I-----					SEQ ID NO:04	
laesGFP	-----I-----YA-F-A----.YV----K-----T-R----IIS-N-T----GNK					SEQ ID NO:06	
pmeaGFP1	-----IL---Y---A-F-A----.IY---MK---S-V-T-R----IISIT-N----GNK					SEQ ID NO:08	
pmeaGFP2	-----IL---Y---A-F-A----.IY---MK---S-V-T-R----IISIT-N----GSK					SEQ ID NO:10	
pmedGFP1	-----L---Y---YA-F-A----.YV---MK---S---T-R----IISAT-N----GRQ					SEQ ID NO:12	
pmedGFP2	-----L---Y---YA-F-A----.YV---MK---S---T-R-D---IISAT-N----GRQ					SEQ ID NO:14	
pdaelGFP	-----F-----,YV---MT-----S-----YLT-N---LDGNK					SEQ ID NO:16	
	120	130	140	150	160	170	
GFP	LVNRIELKGIDFKEDGNILGHKLEYNNSHNVYIMADKQKNGIKVNFKIRHNIEDGSVQL					SEQ ID NO:29	
DsRed	FIYKVKFIVNFPSPDGPVMQ..KKTMGWEASTERLYP..RDGVLKGEIHAKLKLKGHHYL					SEQ ID NO:30	
ppluGFP1	VIGDPKVVGTFPEDS..VIFTDKIIIRSNATVEMLHP..MGDNVLVGSFARTFSLRDGGXYS					SEQ ID NO:02	
ppluGFP2	-----					SEQ ID NO:04	
laesGFP	-----S---AN----K---P-C---IY---K---I---NAYT---WM-----					SEQ ID NO:06	
pmeaGFP1	-----I-----TN---L-----K---P-C---NMF---KA---T---NAYT---YL-K-----					SEQ ID NO:08	
pmeaGFP2	-----I-----I---T---L-----K---P-C---NMF---KA---I---NAYT---YL-K-----					SEQ ID NO:10	
pmedGFP1	-----I-----A---X-----K---P-C---IY---KAN---I---NAYT---WM-----					SEQ ID NO:12	
pmedGFP2	-----I-----A---I-----K---P-C---IY---KAD---I---NAYT---WM-----					SEQ ID NO:14	
pdaelGFP	-----I-----C-----K---PNC---FY---AE-IMKNAYM---L-----					SEQ ID NO:16	
	180	190	200	210	220	230	
GFP	ADHYQQNTPIGDG..PVLLPDNHYLSTQSALSKDNEKRDHMVLLFVTAAGITWGMDELYK					SEQ ID NO:29	
DsRed	VEFKSIYMAKK..PVQLPGYYYYDSKLDITSHNEDYT..IVEQYERTEGRHHLFL					SEQ ID NO:30	
ppluGFP1	FVVDSHMFKSAIHPSILQNGGSMFAFRRVEELHSNT..ELGIVEYQHAFKTPTAFA					SEQ ID NO:02	
ppluGFP2	-----P-----I-----					SEQ ID NO:04	
laesGFP	AQ-NN---L---T-M---TM-----TY-K-----QS..DV-----V-----					SEQ ID NO:06	
pmeaGFP1	AQ-NN-----TTM-----TY-V---T-TQN..VA-----NV-----					SEQ ID NO:08	
pmeaGFP2	AQ-NN-----TM-----TH-V---N-TK..NVA-----NV-----					SEQ ID NO:10	
pmedGFP1	AQ-NN---LQ-----TM-K-----TY-K-----TQ---V-----V-R-----					SEQ ID NO:12	
pmedGFP2	AQ-NN---FK-----TM-----TY-K-----TQ..V-----V-R-----					SEQ ID NO:14	
pdaelGFP	GQ-T---I---N---H-----TY-----TQ..D-----V-----					SEQ ID NO:16	

FIG. 1